

科学研究費助成事業（基盤研究（S））研究進捗評価

課題番号	16H06316	研究期間	平成28(2016)年度～令和2(2020)年度
研究課題	自閉症の生物学的統合研究 <small>(令和4年3月現在)</small>	研究代表者 <small>(所属・職)</small>	内匠 透 <small>(神戸大学・医学研究科・教授)</small>

【令和元(2019)年度 研究進捗評価結果】

評価	評価基準
	A+
○	A
	A-
	B
	C

(意見等)

本研究は、代表的な社会性障害である自閉症に対して、細胞・シナプス、回路・行動、環境要因という3つのレベルで最先端技術を導入した多面的解析を行い、その結果を統合することにより、自閉症の病態解明に迫ることを目的としたものである。

これまで順調に研究が進展しており、幾つかの重要な研究成果を得ている。特に、細胞・シナプス研究でのCNV (copy number variation) データベース、CNV細胞ライブラリ、細胞分化系の構築、回路・行動研究でのin vivo自由行動下での生体Ca<sup>2+</sup>イメージングに関する研究成果は高く評価できる。今後、環境要因レベルの脳腸連関研究を加速するとともに、異なるレベルの研究成果を関連付けて解析することにより、自閉症の病態生理に関する統合的理解に迫ることを期待する。

【令和4(2022)年度 検証結果】

検証結果	検証結果説明
A	<p>当初目標に対し、期待どおりの成果があった。</p> <p>自閉症の病態生理の解明は社会的インパクトの高い喫緊の課題である。研究代表者は、マウスES細胞、マウスマルクなどを使い、(1)細胞・シナプス、(2)回路・行動、(3)環境因(腸内細菌)の3軸より研究を推進し、それぞれで着実な成果を上げた。自閉症CNV細胞ライブラリを構築したことは、リソースとして価値がある。また、研究代表者が構築した有用な自閉症モデルマウスである15q dupマウスにおけるドライバー遺伝子をNecdinであると同定したこと、疾患メカニズム解明として有用な知見である。マウスマルクの個体レベルの解析としては、in vivo自由行動下やVR下でのCa<sup>2+</sup>イメージング、無麻酔でのfMRI解析など難易度の高い最先端の技術を組み合わせ、興味深い所見を得ており、着実に論文発表していることも評価できる。環境因の候補である腸内細菌に関しては、十分な成果が出ているとは言い難いが、これから発展が期待できる。</p> <p>このように総じて優れた成果を上げているが、(1)(2)(3)の各課題間の関連が乏しく、「生物学的“統合”研究」というよりは、各々の独立した成果になってしまった印象は拭えない。異なる階層を統合的に理解し、自閉症の解明に迫ることを今後期待したい。</p>