

科学研究費助成事業（基盤研究（S））公表用資料 〔研究進捗評価用〕

平成 24 年度採択分
平成 27 年 3 月 17 日現在

生存戦略としての体内時計システムの分子解剖

Dissection of Mammalian Biological Clock System at a Molecular Level

課題番号 : 24227001

深田 吉孝 (FUKADA, YOSHITAKA)

東京大学・大学院理学系研究科・教授



研究の概要 体内時計は睡眠覚醒や代謝リズムなど様々な日周変動を生み出す生体システムであり、光や食餌など環境のダイナミックな日内変化に応答して翌日のサイクルを予知できる。ほ乳類では視床下部に中枢時計機能が収斂し、この上に立ち高次脳機能が発達した。本研究では体内時計の入力や発振の分子機構を探求すると共に、高次脳機能への出力の分子的な仕組みを探り、体内時計が動物の脳機能においていかに発達・複雑化したのか動物の生存戦略に迫る。

研究分野：生物学

キーワード：動物生理化学

1. 研究開始当初の背景

体内時計を外部環境に同調させる「入力系」の中でも光入力系は生物に普遍的であり、ほ乳類の視交叉上核(SCN)に存在する中枢時計への光入力系はこれまで精力的に研究されてきた。しかし、光強度を時間積分して位相シフトに変換する仕組みは謎に包まれている。一方、体内時計は「出力系」によって生体機能を制御するが、多彩な脳機能に日周変動をもたらす分子機構はほとんど知られていない。さらに、「発振系」の研究では、従来の時計遺伝子の転写・翻訳フィードバック機構の概念を基礎に、新しい発展的概念の構築に向かおうとしている。このような背景の上で、本研究の目的を3つに分けて記載する。

2. 研究の目的

《1》入力系：中枢時計SCNへの光入力は光感受性網膜神経節細胞ipRGCが担う。本研究では光受容体OPN4の新奇シグナリングを精査し、光情報が積分される仕組みを追求する。光以外の入力系としてはこれまで、培地のpH変化が細胞時計をリセットすることを見出し、アルカリ化はTGFβ-ALK/SMAD経路を介して時計遺伝子Dec1を誘導することを示した(*Nat. Cell Biol.* 2008)。一方、酸性化によるリセットの細胞内シグナルは不明である。本研究ではE4bp4を鍵分子と捉え、新奇リセット経路の生理的意義に迫る。

《2》脳機能：情動や記憶形成の日周リズムは、敵の襲来など生存危機に対する個体の応答性を決定する。これらの脳機能リズムに扁桃体や海馬の時計機構が寄与する可能性について、部位特異的な時計遺伝子KOマウスやSCOP KOマウスを作成して検証すると共に、これら脳

機能が日周変動する分子機構に迫る。一方、最近同定された神経ステロイド 7α -ヒドロキシプレグネノロン(7α -OH-Preg)のほ乳類における生理的役割と合成制御機構を解明する。

《3》分子時計：私共は、体内時計が24時間を刻む振動機構に着目して多くの鍵分子を同定し、時計タンパク質のリン酸化・ユビキチン化など翻訳後修飾が果たす役割を世界に先駆けて示した。本研究ではCRYとその修飾酵素であるE3リガーゼFBXL3とFBXL21に着目し、変異マウスを用いた個体レベルの研究を展開する。また、CLOCK-BMAL1のDNA結合リズムに着目して定量的ChIP-Seq解析を行うと共に、CLOCKをリン酸化するCaMKIIの機能解析を行う。

3. 研究の方法

マウスの行動リズムは自作の行動解析装置を用いて解析する。また中枢時計であるSCNや末梢時計の肝臓、さらにそのモデルの培養細胞を用い、細胞レベルのリズム解析と時計タンパク質の生化学的解析を展開する。

4. これまでの成果

《1》入力系：概日光受容を担うipRGCにおいて、光受容体OPN4はGq/11共役シグナル系を駆動すると考えられてきたが、最近この経路は時計入力に必須ではないことが示唆された。私共は、OPN4が別のGタンパク質を介した経路を光活性化することを培養細胞を用いて見出した。一方、非光入力系では培養細胞で酸性化リセットに着目した研究を展開した。培地の酸性化がE4bp4を誘導すること、さらにE4bp4を欠損した繊維芽細胞において酸性化リセットが阻害されることを見出した。E4bp4は、時計の非光入力において重要な役割を担うことを明らかにした。

《2》脳機能：不安様行動・うつ様行動が体内時計により制御される事を見出した。一方、前脳特異的な時計遺伝子欠損マウスでは情動の変動が消失し、長期記憶効率の日周変動には海馬時計が必要であり海馬CA1ラフト内SCOP量の変動が重要である事を明らかにした。さらに、海馬の初代培養細胞においてSCOP/K-Ras/ERK経路により記憶形成シグナルに日周変動が生じる事を示した（投稿準備中）。一方、マウス脳内に 7α -OH-Pregの生合成系酵素の発現を確認し、間脳での発現が概日変動を示す事を見出した。

《3》分子時計：E3リガーゼ *Fbxl3*と*Fbxl21*のKOマウスの行動リズムを解析した結果、*Fbxl3*KOではリズム周期の著しい延長が観察されたが、*Fbxl3*と*Fbxl21*の二重KOでは周期延長効果が緩和された一方、一部の二重変異マウスは行動リズムが消失した。CRYタンパク質は、FBXL3によりユビキチン化されると分解促進されるが、FBXL21でユビキチン化されると安定化する、というユニークな機構を報告した（Cell, 2014）。またCRY2のリン酸化Ser557をAla置換したKIマウスを作製した結果、リン酸化依存的なCRY2の分解は行動リズム周期の決定に重要であることが判明した（MCB, 2014a）。一方、転写因子CLOCKのDNA結合領域を決定するためにChIP-Seq解析を行い、新たなインフォマティクス技術MOCCSを開発してCLOCKのDNA認識配列を網羅的に抽出した（MCB, 2014b）。また、CaMKIIの活性を減弱させた変異マウスを用いた行動解析を行った結果、活動時間帯（行動の開始から終了までの時間）が日に日に長くなり、ついには活動リズムが消失するという顕著な行動異常を示した（Genes Dev, 2014b）。

5. 今後の計画

《1》入力系：概日光受容における新規シグナリングの役割を個体レベルで調べるため、既知経路をipRGC特異的に欠損させたマウスの行動を解析する。非光入力系では、ある生理活性物質が*E4bp4*を鍵分子とする経路に入力する事を見出したこと、この経路が肝臓などマウス組織で機能する可能性を検証する。
《2》脳機能：情動の概日制御を司る脳内部位を同定するため、脳の局所的破壊を施したマウスを用いて不安様行動やうつ様行動の時刻変動を解析する。一方、海馬依存性の記憶形成効率の概日変動に寄与するSCOPの膜ラフト移行の機構解明を目指す。 7α -OH-Pregを定量分離するMASS-coupled HPLCを確立したので、 7α -OH-Pregの脳内分布・日周変動・光誘導性の解析を進める。また、その生理作用に迫るため、合成酵素の欠損マウスを用いて情動・記憶等に関わる行動解析を行う。

《3》分子時計：時計構成タンパク質の役割をアミノ酸残基レベルで理解すること目標とする。これまで、CRYをユビキチン化して安定化するFBXL21、CRYを脱ユビキチン化するUSP7、CLOCKをリン酸化するCaMKII、BMAL1をユビキチン化するUBE3A/E6-APなど、

多くの時計制御分子を同定した。この上に立ちCLOCK-BMAL1の転写出力に着目したゲノムワイドな解析と、そこから浮かび上がる新たな生理機能リズムの研究を新たに展開する。

6.これまでの発表論文等(受賞等も含む)

深田吉孝：平成26年度 文部科学大臣表彰
科学技術賞 受賞

N. Kon, (以下9名略) & Y. Fukada. CaMKII is essential for cellular clock and coupling between morning and evening behavioral rhythms. *Genes Dev.*, 28, 1101-1110 (2014b)

H. Yoshitane, (以下9名略) & Y. Fukada. CLOCK-controlled polyphonic regulations of circadian rhythms through canonical and non-canonical E-boxes. *Mol. Cell. Biol.*, 34, 1776-1787 (2014b)

V. Pekovic-Vaughan, (以下12名略), Y. Fukada & Q.J. Meng. The circadian clock regulates rhythmic activation of the NRF2/glutathione-mediated antioxidant defense pathway to modulate pulmonary fibrosis. *Genes Dev.*, 28, 548-560 (2014a)

N. Gossan, (以下7名略), Y. Fukada, & Q.J. Meng. The E3 ubiquitin ligase UBE3A is an integral component of the molecular circadian clock through regulating the BMAL1 transcription factor. *Nucl. Acids Res.*, 42, 5765-5775 (2014)

S. Tamai, (以下5名略), Y. Fukada & K. Sanada. Neuroprotective role of the basic leucine zipper transcription factor NFIL3 in models of amyotrophic lateral sclerosis. *J. Biol. Chem.*, 289, 1629-1638 (2014)

A. Hirano, (以下5名略) & Y. Fukada. In vivo role of phosphorylation of Crypto-chrome2 in the mouse circadian clock. *Mol. Cell. Biol.*, 34, 4464-4473 (2014a)

A. Hirano, (以下8名略) & Y. Fukada. FBXL21 regulates oscillation of the circadian clock through ubiquitination and stabilization of cryptochromes. *Cell*, 152, 1106-1118 (2013)

D. Kokel, (以下9名略) Y. Fukada, (以下6名略) & R. Peterson. Identification of non-visual photomotor response cells in the vertebrate hindbrain. *J. Neurosci.*, 33, 3834-3843 (2013)

K. Tsutsui, (以下6名略) & Y. Fukada. New biosynthesis and biological actions of avian neurosteroids. *J. Exp. Neurosci.*, 7, 15-29 (2013)

K. Tsutsui, S. Haraguchi, Y. Fukada & H. Vaudry. Brain and pineal 7α -hydroxy pregnenolone stimulating locomotor activity. *Front. Neuroendocrinol.*, 34, 179-189 (2013)

K. Tsutsui, (以下3名略) & Y. Fukada. Biosynthesis and biological actions of pineal neurosteroids in domestic birds. *Neuroendocrinol.*, 98, 97-105 (2013)

ホームページ等
<http://www.biochem.s.u-tokyo.ac.jp/fukada-lab/>