研究代表者氏名		野島	 i 博				研究	2組織	3人
所属機関・部局・職		大阪大	学・微生物病	研究所・	教授		所属	機関所在地	吹田市
研究課題名	極微量重差分化法の開発と応用								
研究の概要等	申請者はこれまでに重差分化法(段階的サブトラクション法)という独創的な技								
	術を開発し、それを用いて発現特化型 cDNA 群の包括的単離を短期間で完了する方								
	法を完成してきた。この技術を応用すると2つの生物現象において、一方にしか存								
	在しない mRNA(cDNA)分子を短期間で全てクローニングすることができる。本								
	研究では、この技術を基盤として以下の技術開発と応用を行う。								
	重差分化法を少数個の細胞を対象とした極微量試料を扱う新たな技術(極微量重								
	差分化法)として洗練的に開発する。具体的には現在の 1 億個の細胞を出発点とし								
	たレベルから 1 ~ 100 個程度の細胞を出発点としたレベルにまで微量にする。PCR								
	増幅を行わない点で特色ある技術にする。1 個の細胞の重量が約1ナノグラムであ								
	ることを考慮すると、これはナノバイオテクノロジーの一種である。								
	従来は極微量のため困難であった実験系から極微量重差分化法によって新規遺伝								
	子群を単離して機能解析を行うことで、この技術の有用性を証明してゆく。								
	ゲノム情報を活用して極微量重差分化法の応用範囲を拡充する。拡充の対象とし								
	て、採取した患者の微量の病理組織を試料として疾患組織特異的に転写誘導されて								
	いる発現特化型 cDNA を網羅的に単離し、これらを cDNA マイクロアレイとして貼								
	り付けて、新たな診断システムを構築する。								
11445 Am DT									
当該研究課題	1) Fujii, T., Tamura, K., Masai, K., Tanaka, H., Nishimune, Y. and Nojima, H.: Use of								
と関連の深い	stepwise subtraction to comprehensively isolate mouse genes whose transcription is								
論文・著書	upregulated during spermiogenesis. EMBO Rep. 3(4):367-372, 2002.								
	2) 野島 博:ポストゲノムの切り札となる段階的サブトラクション法。実験医学,								
のみ)	20: 1142-1144, 2002.								
 研究期間	平成15年度~19年度(5年間)								
研究経費			平成16年度	,	存度	亚成 1 9	2 任 庄	亚成10年度	合計
(16年度以	T11X 1 2	千円	十 <u>版 1 0 年度</u> 千円	T11X 1 /	千円	L WY I	千円	千八八十五十五十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二	
降は内約額)	,	27,700	13,800	1	13,800		13,800	13,800	
ホームページ	http://www.biken.osaka-u.ac.jp/kenkyu/bio/dmg-021208/dmg								
	_	-021107.htm							
-021107.Httll									